



LABORATORIO  
Protocolo ASTM

---

# ÍNDICE MANUAL DE USUARIO

<b>Caracteres especiales .....</b>	<b>2</b>
<b>SEGMENTOS.....</b>	<b>2</b>
SEGMENTO H (CABECERA) .....	2
SEGMENTO P (PACIENTE).....	3
SEGMENTO OBR (PRUEBAS).....	4
SEGMENTO OBX (RESULTADOS).....	6
SEGMENTO C (COMENTARIO DEL PACIENTE).....	7
SEGMENTO L (VERIFICACION DE ERRORES) .....	7
<b>MENSAJES .....</b>	<b>8</b>
Envío de Peticiones .....	8
Ejemplos.....	8
Recepción de Resultados .....	8
Ejemplos.....	8
Consideraciones Microbiología .....	9
Consideraciones Bioquímica .....	9
Comentarios a la Petición .....	9
<b>ESTRUCTURA DE FICHEROS MAESTROS.....</b>	<b>10</b>
Médicos .....	10
Capítulos.....	10
Diagnósticos codificados .....	10
Muestras .....	11
Perfiles .....	11
Pruebas .....	11
Comentarios a Pruebas.....	12
ESTRUCTURA DE FICHEROS MAESTROS DE MICROBIOLOGÍA .....	13
<b>CONFIGURACIÓN DEL LABORATORIO .....</b>	<b>14</b>
FICHERO .....	14
CONFIGURACIÓN GENERAL .....	16
CONFIGURACIÓN DEL NÚMERO DE PETICIÓN.....	17
CONFIGURACIÓN GENERAL II .....	17

## Caracteres especiales

Los siguientes caracteres son utilizados como limitadores.

Delimitador	Carácter
Registro	Carriage return (ASCII 13)
Campo	Vertical bar ( )
Repetidor	Backslash (\)
Componente	Caret (^)
Escape	Ampersand (&)

## SEGMENTOS

Los segmentos pueden ser de diferentes tipos. Cada segmento es identificado por un campo que identifica el tipo, y termina en un carriage return.

### SEGMENTO H (CABECERA)

Nº CAMPO	CONTENIDO	DESCRIPCIÓN
1	H	Identificador del Segmento H Cabecera.
2	^~\&	Contenido Fijo
3	Vacio	
4	Vacio	
5	CODIGO_ORIGEN ^ DESCRIPCION_ORIGEN	Código y Descripción que identifica el Origen del fichero, separados por ^ (Configurable desde Omilab)
6	Vacio	
7	OMR	Contenido Fijo
8	Vacio	
9	Vacio	
10	CODIGO_DESTINO ^ DESCRIPCION_DESTINO	Código y Descripción que identifica el Destino del fichero, separados por ^ (Configurable desde Omilab)
11	Vacio	
12	P	Contenido Fijo
13	A2.2	Contenido Fijo
14	Fecha y Hora del Sistema	Formato YYYYMMDD+HHMMSS

Ejemplo:

```
H|^~\&|| CODIGO ORIGEN ^ DESCRIPCION ORIGEN ||ORU||CODIGO DESTINO DESCRIPCION DESTINO||PIA2.2|FECHA+HORA|
```

**SEGMENTO P (PACIENTE)**

Nº CAMPO	CONTENIDO	DESCRIPCIÓN
1	P	Identificador de el Segmento P Paciente.
2	Secuencia Del Paciente	Nº de Secuencia de los Pacientes enviados compuesto por 4 dígitos
3	Identificación Paciente	La identificación del paciente es configurable: Se puede enviar el NHC (número de historia clínica del paciente de OMI ), con o sin un Prefijo o también se puede enviar la TIS del paciente si esta es correcta.
4	Vació	
5	Identificación alternativa del paciente	Indistintamente de la identificación del paciente configurada en Omilab, se envía en este campo el código del centro + el NHC como identificación alternativa del paciente. Este campo se envía debido a que "normalmente" los laboratorios identifican al paciente con la TIS, pero en ocasiones no se dispone de esta información y el laboratorio necesita un identificador único del paciente.
6	Apellidos y Nombre del Paciente	Apellido 1 + 1 espacio + Apellido 2 + ^ + Nombre del Paciente + ^
7	Vació	
8	Fecha de Nacimiento	Formato YYYYMMDD
9	Sexo	M (Masculino) y F(Femenino)
10	Cobertura	Char(10) código cobertura PENDIENTE CONF
11 – 23	Vacio	
24	Fecha de envío + ~	Formato YYYYMMDD
25	CIP nacional ^ CIP regional	
26	Telefono	
27	DNI	
28	NSS	
29	Dirección de residencia	Cuatro Campos: Dirección ^ Provincia de residencia ^ Comunidad autónoma de residencia ^ País
30	CIAS médico habitual	CIAS médico habitual

Los campos del 25 al 30 se activan desde la configuración del Laboratorio en OmiLab, marcando la casilla "Enviar datos del Paciente" (Versión 6.3/00B00 en adelante)

Ejemplo:

P11hc1000IIPRBL123123123IPerez Lopez^Jose^I19700506IMIIIIIIIIIIII  
 I20050130I**PRBL1234567890^PRBL695847123I932189681I6958029-XIDiagonal 512 1º**  
**2ºBarcelonalCataluñaI España**

**SEGMENTO OBR (PRUEBAS)**

Nº CAMPO	CONTENIDO	DESCRIPCIÓN
1	OBR	Identificador del Segmento de Pruebas Solicitadas
2	Secuencia de la Pruebas Solicitadas.	
3	^ Código de la Petición	Identificador de la Petición.
4	Num. Orden de la analítica para OMI	Se envía como identificador alternativo de la analítica el Nº de O.C de Genomi en caso de no disponer Nº de Petición (Solo para Genomi)
5	Código de la prueba de laboratorio solicitada + ^ + Descripción de la Prueba + ^L^Código Muestra **^	** Código de la muestra para las pruebas de micro.
6	R	Valor Fijo
7	Fecha + Hora del sistema	Formato YYYYMMDD+HHMM
8	Fecha + Hora del sistema	Formato YYYYMMDD+HHMM (Envío Configurable)
9	Vacío	
10	Vacío	
11	Vacío	
12	R	Valor Fijo
13	Vacío	
14	Vacío	
15	Fecha + Hora del sistema	Formato YYYYMMDD+HHMM (Envío Configurable)
16	Vacío	
17*	Identificación del médico	Valor configurable: 1.Se puede enviar Nº de colegiado, si es correcto, sino se envía XXX. 2.Se puede enviar el código del médico para el laboratorio, si es correcto, sino se envía XXX. <b>Valor configurable:</b> <b>A estos campos se le puede anexar ^ CIAS ^ Nombre Apellido1 Apellido2</b>  Versión 7 en adelante
18	Vacío	
19	Valor Configurable	Servicio
20	Valor Configurable	Doctor2
21	Tipo Episodio	Solo para Genomi. (Envío Configurable)
22	Agenda Extracciones	(Envío Configurable)
23	Fecha + Hora de cita de extracción	Formato YYYYMMDD+HHMM (Envío Configurable)

Campo 17\* - esta pendiente de confirmación el envío de CIAS, Nombre Apellido1 y Apellido2. El nombre del profesional no se puede separar porque en OmiAp solo tenemos solo un campo.

Ejemplo:

OBR11^050130001|IP0001^Glucosa^L^IRI200501301101|200501301101|IRI200501301101||1701  
9718^12345678901^Juan Lopez Gracia||A1|A2|||

### SEGMENTO OBX (RESULTADOS)

Nº CAMPO	CONTENIDO	DESCRIPCIÓN
1	OBX	Identificador del Segmento de Resultados de la Prueba
2	Secuencia de la Pruebas	
3	Tipo de Resultado	NM – Numérico TX – Texto (80 caracteres ) CE - Observaciones a la Prueba .Pueden ser observaciones o resultados codificados. <b>Campo procesado por Omilab</b>
4	Código de Prueba ^ Descripción de la Prueba ^ Tipo Prueba ^L^	U-> Muestra (versión 7 en adelante) B-> Lab General (Prueba) M-> Microorganismo A -> Antibiótico
5	Vacío	
6	Resultado	<b>Campo procesado por Omilab</b> (pruebas de bioquímicas y *antibióticos ) *cuando el tipo de prueba es un Antibiótico, si el resultado es de tipo NM carga el valor en la columna CMI, de lo contrario lo carga en la columna Valoración. Los valores para la valoración son: I: Intermedio N: No clasificada R: Resistente S: Sensible)
7	Unidades	<b>Campo procesado por Omilab</b> (solo pruebas de bioquímicas)
8	Rangos Referencia	Rango Inferior – Rango Superior <b>Campo procesado por Omilab</b> (solo pruebas de bioquímicas)
9	Nivel Normalidad	L – Bajo H – Alto N – Normal (solo pruebas de bioquímicas)
10	Vacío	
11	Vacío	
12	Estado Resultado	(no se utiliza)
13	Resultado URL	URL para consultar el resultado de la analítica.  Como este segmento se repite n veces en los resultados, se va a guardar el último que contenga valor.  <b>Requisito importante.</b> Desde OMI solo se puede utilizar el método GET .  Versión 7 en adelante

Ejemplo:

OBX11NMIP0001^Glucosa^B^L^>||120|mg/dLI70-110IHIIIF1

**SEGMENTO C (COMENTARIO DEL PACIENTE)**

Nº CAMPO	CONTENIDO	DESCRIPCIÓN
1	C	Identificador de el Segmento de Comentario.
2	1	Secuencia del Comentario . Valor Fijo
3	L	Valor Fijo
4	Comentario	Comentario que realiza el profesional a la hora de realizar la analítica.

Este segmento se utiliza únicamente en el envío de la petición.

**SEGMENTO L (VERIFICACION DE ERRORES)**

Nº CAMPO	CONTENIDO	DESCRIPCIÓN
1	L	Identificador de verificación de errores.
2	Vacío	
3	Vacío	
4	Número total de Pacientes Enviados	
5	Número total de líneas enviadas	
6	Vacío	

## MENSAJES

### Envío de Peticiones

Se compone de los siguientes segmentos:

```
H
{P
    [C]
    {OBR
    }
}
```

### Ejemplos

```
HI^~\&III1^1IORMIII1^1IIPIA2.2I20051221114908I
PI0001IC20997I1610331020997IPEIREIRA BALIÑO^ANIBAL^I19450518IMI
CI1I|IACTIVIDADES PREVENTIVASI
OBR|0001|^5120007176I|202^UREA^L^IRI200512211149I|200512211149I|III|200512211149I|I|IIIIII
OBR|0001|^5120007176I|1998^CULTIVO ORINA (CORIU^L^IRI200512211149I|200512211149I|III|200512211149I|I|IIIIII
OBR|0002|^5120007176I|2066^SECRECIÓN NASAL BACT^L^IRI200512211149I|200512211149I|III|200512211149I|I|IIIIII
L|I|I|21I|
```

### Recepción de Resultados

Se compone de los siguientes segmentos:

```
H
{P
    [C] *OmiLab no lo procesa
    {OBR
        {OBX
        }
    }
}
```

### Ejemplos

```
HI^~\&III1^1IORMIII1^1IIPIA2.2I20051221114908I
PI0001IC20997I1610331020997IPEIREIRA BALIÑO^ANIBAL^I19450518IMI
CI1I|IACTIVIDADES PREVENTIVASI
OBR|0001|^5120007176I|202^UREA^L^IRI200512211149I|200512211149I|III|200512211149I|I|IIIIII
OBX|1|INMI202^UREA^B^L^I|0.28|III|I|F|
OBR|0001|^5120007176I|1998^CULTIVO ORINA (CORIU^L^IRI200512211149I|200512211149I|III|200512211149I|I|IIIIII
OBX|1|ITXI1998^Microorganismo1^B^L^I|Comentario 1|(U/L)|12-24|I|I|F|
OBX|1|ITXI|B003^Microorganismo1^M^L^I|III|I|I|F|
OBX|2|INMI2094^Antibiotico1^A^L^I|10|III|I|F|
OBX|2|ITXI2094^Antibiotico1^A^L^I|SI|III|I|F|
OBX|3|ITXI2173^Antibiotico2^A^L^I|III|I|I|F|
OBX|4|ITXI|B012^Microorganismo2^M^L^I|III|I|I|F|
OBX|5|ITXI2174^Antibiotico1^A^L^I|SI|III|I|F|
OBR|0002|^5120007176I|2066^SECRECIÓN NASAL BACT^L^IRI200512211149I|200512211149I|III|200512211149I|I|IIIIII
OBX|1|ITXI2066^Microorganismo1^B^L^I|Comentario 4|(U/L)|12-24|I|I|F|
OBX|2|ITXI|B066^Microorganismo1^M^L^I|III|I|I|F|
OBX|3|ITXI|B078^Microorganismo1^M^L^I|III|I|I|F|
OBX|4|INMI7816^Antibiotico1^A^L^I|90|III|I|F|
OBX|5|INMI2181^Antibiotico1^A^L^I|68|III|I|F|
OBX|6|ITXI2181^Antibiotico1^A^L^I|IR|III|I|F|
L|I|I|21I|
```

### Consideraciones Microbiología

Los resultados de microbiología ha de venir ordenados siguiendo la estructura:

Prueba - > Comentario a la prueba

Microorganismo1

Antibiotico1 -> Resultado del Antibiótico

Antibiotico2 -> Resultado del Antibiótico

Microorganismo2

Antibiotico3 -> Resultado del Antibiótico

Antibiotico4 -> Resultado del Antibiótico

### Consideraciones Bioquímica

Primero han de venir los resultados Numérico/Texto y después los comentarios a las pruebas

### Comentarios a la Petición

Para añadir comentarios a la petición estos han de venir identificados bajo un código de prueba ficticio CGN. Pueden venir n líneas de comentarios para cada petición del fichero, tal y como se muestra en el siguiente ejemplo:

```
HI^~&III1^1IORMIII1^1IIPIA2.2I20051221114908I
PI0001IC20997I1610331020997IPEREIRA BALIÑO^ANIBAL^I19450518IMI
CI1IILACTIVIDADES PREVENTIVASI
OBRI0001I^5120007176I202^UREA^L^IRI200512211149I200512211149IIIRIII200512211149I1IIIIII
OBXI1INMI202^UREA^B^L^IIO.28IIINIIIFI
OBRI0002I^5120007176ICGN^Comentario General^L^IRI200512211149I200512211149IIIRIII200512211149IIIIIIII
OBXI1INMI CGN^Comentario General^B^L^IILinea de Comentario 1 a la peticiónIIINIIIFI
OBXI2INMI CGN^Comentario General^B^L^IILinea de Comentario 2 a la peticiónIIINIIIFI
LIII19II
```

## ESTRUCTURA DE FICHEROS MAESTROS

A continuación se describen los ficheros que se deben proveer al programa OMILAB para realizar tanto la carga inicial como el posterior mantenimiento.

### Médicos

NOMBRE DEL FICHERO: BAYMED.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLMED  
 ESTRUCTURA:  
 (1) NOMBRE Texto (30) |  
 (2) |  
 (3) CODIGO Texto (20) |

#### NOTAS:

1. Formato del nombre del médico : APELLIDO1 APELLIDO2, NOMBRE
2. Posteriormente los médicos del fichero de carga se deberán asociar a los médicos de OMI.
3. La descripción no puede ser mayor a 30 caracteres.
4. Acciones de la carga:  
 Si durante la carga Omilab detecta que el médico ya esta cargado en su catálogo, no actualiza ningún campo.

### Capítulos

NOMBRE DEL FICHERO: BAYCAP.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLOMD  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO Numérico (Entero) |  
 (2) DESCRIPCION Texto (40) |

#### NOTAS:

1. La descripción no puede ser mayor a 40 caracteres.
2. **El código de los capítulos ha de ser numérico**
3. Acciones de la carga:  
 Si durante la carga Omilab detecta de que el capítulo ya esta cargado en su catálogo, lo informa en el listado Log de carga de maestros y no actualiza ningún campo.

### Diagnósticos codificados

NOMBRE DEL FICHERO: BAYDIAG.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLDIA  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO |  
 (2) |  
 (3) DESCRIPCION |

**Muestras**

NOMBRE DEL FICHERO: BAYMUS.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLMOS  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO Texto (10) |  
 (2) DESCRIPCION Texto (30) |

NOTAS:

1. La descripción no puede ser mayor a 30 caracteres.
2. Acciones de la carga:  
Si durante la carga Omilab detecta que la muestra ya esta cargado en su catálogo, actualiza la descripción.

**Perfiles**

NOMBRE DEL FICHERO: BAYPER.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLPER  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO Texto(9) |  
 (2) CODIGO Texto(9) |  
 (3) |  
 (4) |  
 (5) |  
 (6) NOMBRE PERFIL Texto(60) |  
 (7) CAPITULO Numérico (Entero) |  
 (8) VIGENCIA S ó N |  
 (9) BIL |  
 (10) |  
 (11) |  
 (12) |  
 (13) CODIGO PRUEBA Texto(9) |  
 (14) CODIGO PRUEBA Texto(9) |  
 (15) CODIGO PRUEBA Texto(9) |...IIII

NOTAS:

1. El campo 9 se tiene que llenar con el literal BIL
2. El registro tiene que terminar con el carácter I, de lo contrario no incorporará la última prueba.
3. Acciones de la carga:  
Si durante la carga Omilab detecta que el perfil ya esta cargado en su catálogo, actualiza el perfil, menos los parámetros capítulo y el orden de visualización del perfil dentro del capítulo.  
Después de cargar la cabecera del perfil, se borra el contenido del perfil (pruebas) y se vuelve a cargar el contenido de este con las pruebas especificadas en el fichero.

**Pruebas**

NOMBRE DEL FICHERO: BAYPRU.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDDOMR,IDDRLB,IDLRCO  
 ESTRUCTURA:

(1)	CODIGO PRUEBA	Texto(9)	
(2)	CODIGO PRUEBA	Texto(9)	
(3)	UNIDADES	Texto(12)	
(4)			
(5)			
(6)	DESCRIPCION PRUEBA	Texto(60)	
(7)	CODIGO CAPITULO	Númérico (Entero)	
(8)	ORDENCAPITULO	Númérico (Entero)	
(9)	TIPO PRUEBA	Ver Notas	
(10)	TIPO RESULTADO	Ver Notas	
(11)	CODIGO MUESTRA	Texto(10)	
(12)	VIGENCIA	Ver Notas	
(13)	PRECIO PRUEBA	Númérico	
(14)	DIAS REALIZACION DE LA PRUEBA	Númérico	
(15)	CANTIDAD DE MUESTRA REQUERIDA	Númérico	
(16)	CÓDIGO DEL TUBO	Texto(10)	

**NOTAS:**

- Valores posibles de TIPO\_PRUEBA  
ELE -> Bioquímica  
ELEM -> Microbiología
- Valores posibles de TIPO\_RESULTADO  
NUM -> Numérico  
TXT -> Texto
- Valores posibles de VIGENCIA  
S -> Sí  
N -> No
- Acciones de la carga:  
Si durante la carga Omilab detecta de la prueba ya esta cargada en su catálogo, actualiza los campos: Tipo Prueba, Unidades, Vigencia, Tipo Resultado, Días realización de la Prueba, Precio Prueba, Cantidad Muestra, Descripción Prueba.  
Se borran los rangos de normalidad de las pruebas y se cargan nuevamente.  
Se borran las muestras asociadas a la prueba y se cargan nuevamente.

**Comentarios a Pruebas**

NOMBRE DEL FICHERO: BAYCMF.FIC  
FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLCMF  
ESTRUCTURA:

(1)	CODIGO COMENTARIO	Texto(10)	
(2)	DESCRIPCION COMENTARIO	Texto(1000)	

**NOTAS:**

- Acciones de la carga:  
Si durante la carga Omilab detecta que el Comentario ya esta cargado en su catálogo, NO actualiza sus datos.

## ESTRUCTURA DE FICHEROS MAESTROS DE MICROBIOLOGÍA

### Muestras de microbiología

NOMBRE DEL FICHERO: BAYMMI.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLMMI  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO MUESTRA Texto(7) |  
 (2) DESCRIPCION Texto(25) |  
 (3) DESC. ABREVIADA Texto(10) |

### Relación muestras – pruebas de micro

NOMBRE DEL FICHERO: BAYRMP.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLRMP  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO PRUEBA Texto(7) |  
 (2) CODIGO MUESTRA Texto(7) |

### Antibióticos

NOMBRE DEL FICHERO: BAYANT.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLANT  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO Texto(7) |  
 (2) DESCRIPCION Texto(25) |  
 (3) DESC. ABREVIADA Texto(10) |

### Microorganismos

NOMBRE DEL FICHERO: BAYMCO.FIC  
 FICHERO ASOCIADO EN OMI: IDLMCO  
 ESTRUCTURA:  
 (1) CODIGO Texto(7) |  
 (2) DESCRIPCION Texto(35) |

### NOTA:

- Acciones de la carga (para todas las tablas de microbiología):  
 Si durante la carga Omilab detecta que ya existe, NO actualiza sus datos.

## CONFIGURACIÓN DEL LABORATORIO

**Configuración para el Laboratorio**

La configuración de laboratorio es muy importante para el correcto funcionamiento de la conexión.  
Si tiene alguna duda al respecto, contacte con STACKS.

ASTM DAVID PRUEBA | General

Ficheros			Configuración Número Petición	
<b>Envío</b>	<b>Recepción</b>	<b>Maestros</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Proponer num pet	
Directorio: .\IMPEXP	Directorio: .\IMPEXP	Directorio: .\IMPEXP	Long. Num Pet: 10	
Cabecera: COR	Cabecera: ROR	<input type="checkbox"/> Renombrar Maestros	<input type="checkbox"/> Comenzar numeración	
Extensión: COR	Extensión: COR		R.Inf: 0	R.Sup: 999 999
<input type="checkbox"/> Genera un fichero por petición				
<input type="checkbox"/> Fichero de control de grabación de fichero				
Configuración General				
Origen: 01	Origen: Origen Generico	<input type="checkbox"/> Enviar Correo	Microbiología	
Destino: 02	Destino: Destino Generico	<input type="checkbox"/> Enviar Número Colegiado		
Doctor2: DX4	Servicio:	<input type="checkbox"/> Enviar Agenda de Extracciones		
Prefijo NHC: C		<input type="checkbox"/> Enviar Fecha de Extracción		
Longitud TIS: 14		<input checked="" type="checkbox"/> Enviar Fecha de Envío		
			<input checked="" type="checkbox"/> Reenviar Peticiones	
			<input checked="" type="checkbox"/> Especificación de tipo de resultado	
			<input checked="" type="checkbox"/> Enviar separador en apellidos paciente	

Aceptar     Cancelar

## FICHERO

- **Directorio de Envío:** directorio donde OMILAB deja el fichero de las peticiones. Por defecto el directorio es .\IMPEXP

INI: BY\_DIRDESTINO

- **Cabecera Envío:** Cabecera del fichero de envío. Por defecto si esta en blanco la cabecera es COR

INI : BY\_CAB\_FILE

- **Extensión Envío:** Extensión del fichero de envío. Por defecto si esta en blanco la extensión es COR

INI : BY\_EXT\_FILE

**NOTA:** el nombre del fichero generado será BY\_CAB\_FILE + '0001.' + BY\_EXT\_FILE

- **Directorio de Recepción :** directorio donde OMILAB coge los ficheros de resultados. Por defecto el directorio es .\IMPEXP

INI: BY\_DIRORIGEN

- **Cabecera Recepción:** Cabecera del fichero de resultados. Por defecto si esta en blanco la cabecera es COR. Si se entra en la configuración y este campo no tiene valor la cabecera será R + 2ª y 3ª posición de la cabecera de envío.

INI : BY\_CAB\_RFILE

- **Extensión Recepción:** Extensión del fichero de resultados. Por defecto si esta en blanco la extensión es COR. Si se entra en la configuración y este campo no tiene valor la extensión será igual que la del fichero de envío.

INI : BY\_EXT\_RFILE

**NOTA:** para cada fichero de resultados ha de haber un fichero con el mismo nombre pero con extensión OK. El nombre del ficheros de resultados buscados será generado será BY\_CAB\_RFILE + '????.' + BY\_EXT\_RFILE

- **Generar un fichero por petición :** genera un fichero por petición de analítica.

INI : GENERAFICHPORPETI (SI o NO)

**NOTA:** El nombre del fichero generado será BY\_CAB\_FILE + Número de Orden de la petición + BY\_EXT\_FILE

Lo habitual para un centro de AP es generar un único fichero de petición, una vez se han realizado todas las extracciones, con lo cual esta opción debe estar desmarcada.

- **Directorio de Fich. Maestros:** directorio donde OMILAB coge los ficheros maestros para procesarlos. Por defecto el directorio es .\IMPEXP
- **Renombrar maestros una vez procesados:** Cada fichero maestro es renombrado una vez procesado, procesados para que estos no vuelvan a ser cargados por error, por su nombre original + DIA + MES + Numero secuencial.

[Ordenes Medicas]

RenombrarMaestros = SI o NO

- **Reporte Laboratorio :**

Esta opción solo es válida para GENOMI. (No para AP)

Directorio desde el cual GENOMI visualiza el reporte de resultado de laboratorio.

- **Fichero de Control de Grabación:**

Si está activada esta opción, una vez generado el fichero de peticiones , OMILAB graba un fichero con el mismo nombre pero con extensión ok, indicando al laboratorio que el fichero de peticiones ya ha sido totalmente generado. De igual modo laboratorio ha de generar junto con el fichero de resultados otro fichero con el mismo nombre pero con extensión ok que indique a Omilab que el fichero de resultados ya ha sido totalmente generado.

Si no esta activada esta opción Omilab no genera el fichero de control .ok y tampoco es necesario que el laboratorio lo genere para que Omilab cargue los resultados. (por defecto esta opción esta activa)

## CONFIGURACIÓN GENERAL

- **Origen** : Campo Origen(5) del protocolo ASTM en el segmento H.  
Es el código Origen con el cual el laboratorio identifica de que centro es la petición enviada.
- **Destino** : Campo Destino(10) del protocolo ASTM en el segmento H  
Es el código con el cual se identifica al laboratorio de referencia.
- **Doctor2**: El contenido de este campo se envía en el campo 20 del segmento OBR (Opcional)
- **Servicio**: El contenido de este campo se envía en el campo 19 del segmento OBR (Opcional)
- **Enviar Correo y Dirección de envío** : si se activa esta opción una vez generado el fichero de petición el programa abre el cliente de correo con la dirección especificada. (Opcional)
- **Prefijo NHC** : Prefijo que se le añade al NHC del paciente si esta activada la opción Identificación del paciente por NHC. (Opcional)
- **Enviar numero de colegiado**: Si esta activo se envía en el campo 17 del segmento OBR el número de colegiado del medico emisor, si no envía el código de laboratorio asignado a este.
- **Microbiología**: Activa el circuito de microbiología. Esta opción ha de activarse solo si el laboratorio trabaja con la interfase especial de microbiología.
- **Reenviar peticiones**: esta opción permite regenerar el /los ficheros de petición. Por defecto es aconsejable activar esta opción. Esta opción es aconsejable desactivarla si esta activada la opción de generar un fichero por petición.
- **Enviar Fecha de Envío** : envía la fecha del sistema en los campos 8 y 15 del segmento OBR del fichero de petición. (opcional)
- **Enviar Tipo Episodio** : envía la en los campo 21 del segmento OBR el tipo de episodio. Esta opción solo es válida para GENOMI. (No para AP) (Opcional)
- **Enviar Agenda Extracciones** : envía la en los campo 22 del segmento OBR la agenda de extracción con la que ha sido citada el paciente. (Opcional)
- **Enviar Fecha de Extracción** : envía la en los campo 22 del segmento OBR la agenda de extracción con la que ha sido citada el paciente. (Opcional)
- **Longitud TIS**: ha de especificarse cual es la cantidad de dígitos de la TIS de la comunidad en la que se trabaja. Lo normal es para Cataluña 14 y para el Resto de España 16.
- **Especificación de tipo de resultado**:  
En OMIAP hay 2 tipos de resultados posibles para una prueba: resultado numérico o texto. Estos dos se muestran en columnas diferentes dentro del visor de resultados de OMIAP.  
Algunos laboratorios que utilizan este protocolo no pueden especificar en el fichero de resultados cuales son resultados numéricos y cuales son de tipo texto. Si se desactiva esta opción Omilab evalúa el resultado para saber si es numero o texto para que sean cargados correctamente en OMIAP.

- **Enviar separador en apellidos paciente**

Permite configurar si en el segmento P del fichero de peticiones , los apellidos del paciente se separan con un espacio o con el separador ^

- **Enviar Información Paciente** Campo 25 al 30

### CONFIGURACIÓN DEL NÚMERO DE PETICIÓN

- **Long Petición Lab:** Longitud total del numero de petición incluyendo la fecha (si se ha activado esta opción ) y el código de la petición

INI: BY\_LONG\_PETICION\_LAB

- **Dígitos numero petición:** Especifica la cantidad de dígitos del código de la petición.

INI: NPL

- **Incluir Fecha en el número de la petición:**

Especifica si el número de la petición debe contener la fecha. Hay que tener en cuenta que la fecha se compone de 3 dígitos : 1º (último dígito del año), 2º y 3º para el mes con lo cual si se marca la opción de SI, se reservan 3 dígitos de los especificados en el campo Long. Pet. Lab (número total de dígitos de la petición) para la fecha.

INI : FechaPet = (SI o NO)

- **R. Inf:** Rango inferior del código de la petición. Por defecto es aconsejable poner 0.

INI: BY\_RINF

- **R. Sup:** Rango superior del código de la petición. Por defecto es aconsejable dejar el número máximo que se puede generar con los dígitos especificados en el campo Dígitos Número Petición

INI: BY\_RSUP

- **Comenzar numeración:** indica cual es el número por el cual van ha empezar la numeración del código de petición.

INI: BY\_RENUM = ( 0 o 1). Si vale 1 activa la renumeración.

INI: BY\_NUMCOMIENZO. Número por el que empieza la numeración en caso de BY\_REMUN = 1

- **Proponer num pet =** Si esta opción esta activa el programa propone el siguiente Número de Petición, calculando el número máximo asignado hasta el momento.

### CONFIGURACIÓN GENERAL II

- **Asignación del número de la petición:** el número del código de barras se puede introducir cuando se cita o desde extracciones cuando el paciente acudió. Lo normal es asignar el número de petición en extracción.

- **Filtro por agenda:** si se activa esta opción el programa filtra la lista y listados de extracciones según la agenda de extracción seleccionada. Únicamente es útil si hay n listas de extracciones.
- **Identificación del paciente :** puede ser por NHC o por TIS.
- **Carga de capítulos como vigentes :** los capítulos serán visibles o no dependiente de este parámetro. (Válido solo para capítulos nuevos)
- **Configuración directa en el INI:**

[Ordenes Medicas]

IncluirTipoMuestra = SI o NO

Por defecto es Si. Incluye el literal TUBO o MUESTRA delante del nombre del tipo o la muestra en el listado de Extracciones. Para que sea un tubo el código de la muestra ha de empezar por T.

- **Desglose de los Perfiles**

Se han creado 2 nuevos parámetros para el nuevo funcionamiento del desglose de perfiles.

- DesglosarPerfilListado = SI o NO

Se puede especificar si se desea el listado de peticiones desglosado o no.

- DesglosarPerfilEnvio (Este parámetro se configura desde la pantalla de configuración de Omilab)

Se especifica si se desea enviar a laboratorio los perfiles desglosados o no

NOTA: Es necesario que si el centro crea sus propios perfiles, estos se envíen siempre desglosados.

NOTA: Estos parámetros funcionarán correctamente con las peticiones que se generen con la dlls que incorpora el cambio en OMIAP y con la nueva instalación de OMILAB 02.

También funcionarán correctamente si las peticiones generadas anteriormente a la modificación, se han generado con desglosarperfil = NO.

El único caso en el que estos parámetros no tendrán efecto serán aquellas peticiones generadas con desglosarperfil= SI y ahora se desee que el envío o el listado de resultados se haga con desglosarperfil = NO.

- **Validar cierre de agendas en envío**

Si hay pacientes citados para el rango de fechas seleccionado en el envío de peticiones y estos pertenecen a mas de una agenda de extracción, Omilab valida que para el laboratorio y centro (si la estructura funcional esta activa) seleccionados no hayan peticiones que les falte el número de petición .Si es así el envío no se realizará.

Por lo tanto si se activa este parámetro, sería conveniente que se realice el cierre de cada una de las agendas de extracción para evitar que el envío de peticiones al laboratorio no se realice cuando haya pacientes que no han acudido a la extracción. La manera de cerrar la agenda es, una vez se haya introducido el número de petición a todos los pacientes que acudieron a la

extracción, pulsar el botón “Volver a dejar Listas para citar las O.C de los pacientes que no acudieron” de la pantalla de Listados de Extracción.

- **Orden de capítulos en listado**

Permite configurar si se desea ordenar los listados de petición y resultados de analítica, según el orden de capítulos establecido en el OMILAB.